**Załącznik nr 1**

**ATESTACJA W ZAKRESIE ŚLADÓW BIOLOGICZNYCH**

NUMER LABORATORIUM ………………….

**1. Wyniki badań wstępnych**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **nr próbki** | **pochodzenie gatunkowe i rodzaj materiału biologicznego** | **zastosowane metody identyfikacji** |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |

**2. Wyniki badań loci STR**

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Locus** | **Próbka** | | | | |
|  |  |  |  |  |
| **AMEL\*** |  |  |  |  |  |
| **CSF1PO\*** |  |  |  |  |  |
| **D2S1338\*** |  |  |  |  |  |
| **D3S1358\*** |  |  |  |  |  |
| **D5S818\*** |  |  |  |  |  |
| **D7S820\*** |  |  |  |  |  |
| **D8S1179\*** |  |  |  |  |  |
| **D13S317\*** |  |  |  |  |  |
| **D16S539\*** |  |  |  |  |  |
| **D18S51\*** |  |  |  |  |  |
| **D19S433\*** |  |  |  |  |  |
| **D21S11\*** |  |  |  |  |  |
| **FGA\*** |  |  |  |  |  |
| **TH01\*** |  |  |  |  |  |
| **TPOX\*** |  |  |  |  |  |
| **vWA\*** |  |  |  |  |  |
| **ACTBP2** |  |  |  |  |  |
| **D10S1248** |  |  |  |  |  |
| **D22S1045** |  |  |  |  |  |
| **D2S441** |  |  |  |  |  |
| **D1S1656** |  |  |  |  |  |
| **D12S391** |  |  |  |  |  |
| **Penta D** |  |  |  |  |  |
| **Penta E** |  |  |  |  |  |

Legenda: \* oznacza układ obowiązkowy

**3. Wyniki badań loci Y-STR**

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Próbka** |  |  |  |  |
| **Locus** |  |  |  |  |  |
| **DYS19** |  |  |  |  |  |
| **DYS385** |  |  |  |  |  |
| **DYS389 I/II** |  |  |  |  |  |
| **DYS390** |  |  |  |  |  |
| **DYS391** |  |  |  |  |  |
| **DYS392** |  |  |  |  |  |
| **DYS393** |  |  |  |  |  |
| **DYS437** |  |  |  |  |  |
| **DYS438** |  |  |  |  |  |
| **DYS439** |  |  |  |  |  |
| **DYS448** |  |  |  |  |  |
| **DYS456** |  |  |  |  |  |
| **DYS458** |  |  |  |  |  |
| **DYS481** |  |  |  |  |  |
| **DYS533** |  |  |  |  |  |
| **DYS549** |  |  |  |  |  |
| **DYS570** |  |  |  |  |  |
| **DYS576** |  |  |  |  |  |
| **DYS643** |  |  |  |  |  |
| **DYS635** |  |  |  |  |  |
| **GATA H4.1** |  |  |  |  |  |

**4. Wyniki badań mtDNA**

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Próbka** | | | | |
| **Badany fragment** |  |  |  |  |  |
| **Początek:…….** |  |  |  |  |  |
| **Koniec:……….** |  |  |  |  |  |
| **Początek:…….** |  |  |  |  |  |
| **Koniec:……….** |  |  |  |  |  |
| **Początek:…….** |  |  |  |  |  |
| **Koniec:……….** |  |  |  |  |  |
| **Początek:…….** |  |  |  |  |  |
| **Koniec:……….** |  |  |  |  |  |

Legenda: proszę wpisać pozycję pierwszego i ostatniego nukleotydu badanego fragmentu mtDNA oraz wykryte różnice w stosunku do sekwencji referencyjnej Andersona

**5. Wyniki obliczeń statystycznych (Fst = 0)**

|  |  |
| --- | --- |
| **Numer próbki** |  |
| **Częstość profilu (MP)** |  |
| **LR = 1 / MP** |  |

|  |  |
| --- | --- |
| **Numer próbki** |  |
| **Częstość profilu (MP)** |  |
| **LR = 1 / MP** |  |

|  |  |
| --- | --- |
| **Numer próbki** |  |
| **Częstość profilu (MP)** |  |
| **LR = 1 / MP** |  |

Do powyższych obliczeń należy wykorzystać bazę danych częstości alleli dostępną na stronie internetowej Komisji.

**6. Zwięzła interpretacja uzyskanych wyników**

………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….  
………………………………………………………………………………………………….